

Таблица 1 | Существующие базы данных грибов.

	Описание	Сайт
FungiDB	Объединяет данные по геному, транскриптому, протеому и фенотипу, а также другие типы данных по грибкам, содержит сотни грибковых геномов	<a href="http://fungidb.org">fungidb.org</a>
Mycobank	Онлайн-база данных для научного сообщества, в т. ч. для микологов; фиксирует новые данные микологической номенклатуры (новые названия и комбинации) и связанные с этим данные	<a href="http://www.mycobank.org">www.mycobank.org</a>
UNITE	База данных маркерных генов грибов, сосредоточенных в регионе ITS ядерного генома, кодирующем эукариотические рибосомы; 2 688 805 ITS сгруппированы на приблизительно видовом уровне	<a href="http://unite.ut.ee">unite.ut.ee</a>
Ensembl Fungi	Браузер для поиска грибковых геномов, содержащий 1506 геномов; Ensembl Fungi предлагает согласованный набор интерфейсов, охватывающий древо жизни с геномными последовательностями, аннотациями, разнообразием, транскриптомными данными и сравнительным анализом	<a href="http://fungi.ensembl.org">fungi.ensembl.org</a>
Целевая база данных грибов, связанных с хозяином	Содержит 1817 последовательностей ITS1, представляющих разнообразие последовательностей у грибов в родах, ранее выявленных в кишечнике человека и мыши	<a href="http://riscweb.csmc.edu/microbiome/thf">riscweb.csmc.edu/microbiome/thf</a>
База данных EPPO-Q-bank Fungi	Содержит данные о последовательностях ДНК для видов, имеющих значение в микологической фитопатологии; в ней имеется 16 081 последовательность для 890 видов и 3379 штаммов	<a href="http://qbank.eppo.int/fungi">qbank.eppo.int/fungi</a>
PHYMYCO-DB	База данных грибов, содержащая 13 891 последовательностей и разработанная с целью помогать сообществам микологов находить данные о грибковых ДНК-маркерах для филогенетического анализа	<a href="http://phymycodb.genouest.org">phymycodb.genouest.org</a>
FungalTraits	Удобная база данных признаков грибов, облегчающая функциональное назначение и экологическую интерпретацию исследований, посвященных окружающей среде и содержащая 697 413 грибковых ITS-последовательностей	<a href="http://FungalTraits.1.2">FungalTraits 1.2</a>
MycCosm	Сетевой интерактивный ресурс, посвященный грибковой геномике и содержащий более 1000 геномов грибов	<a href="http://myccosm.jgi.doe.gov">myccosm.jgi.doe.gov</a>
База данных штрихкодирования ISHAM	Создана рабочей группой ISHAM на основе ДНК-штрихкодирования патогенных грибов человека и животных; эта база предлагает ITS-регионы кластеров рибосомных генов с контролем качества (т. е. первичный грибковый ДНК-штрихкод); она содержит более 4000 последовательностей, соответствующих 640 видам патогенных грибов человека и животных; база данных TEF1α в настоящее время разрабатывается и содержит ~ 500 последовательностей 130 патогенных видов грибов животных и человека	<a href="http://its.mycologylab.org">its.mycologylab.org</a>

ITS = internal transcribed spacer (внутренний транскрибируются спейсер)

ISHAM = International Society of Human and Animal Mycology